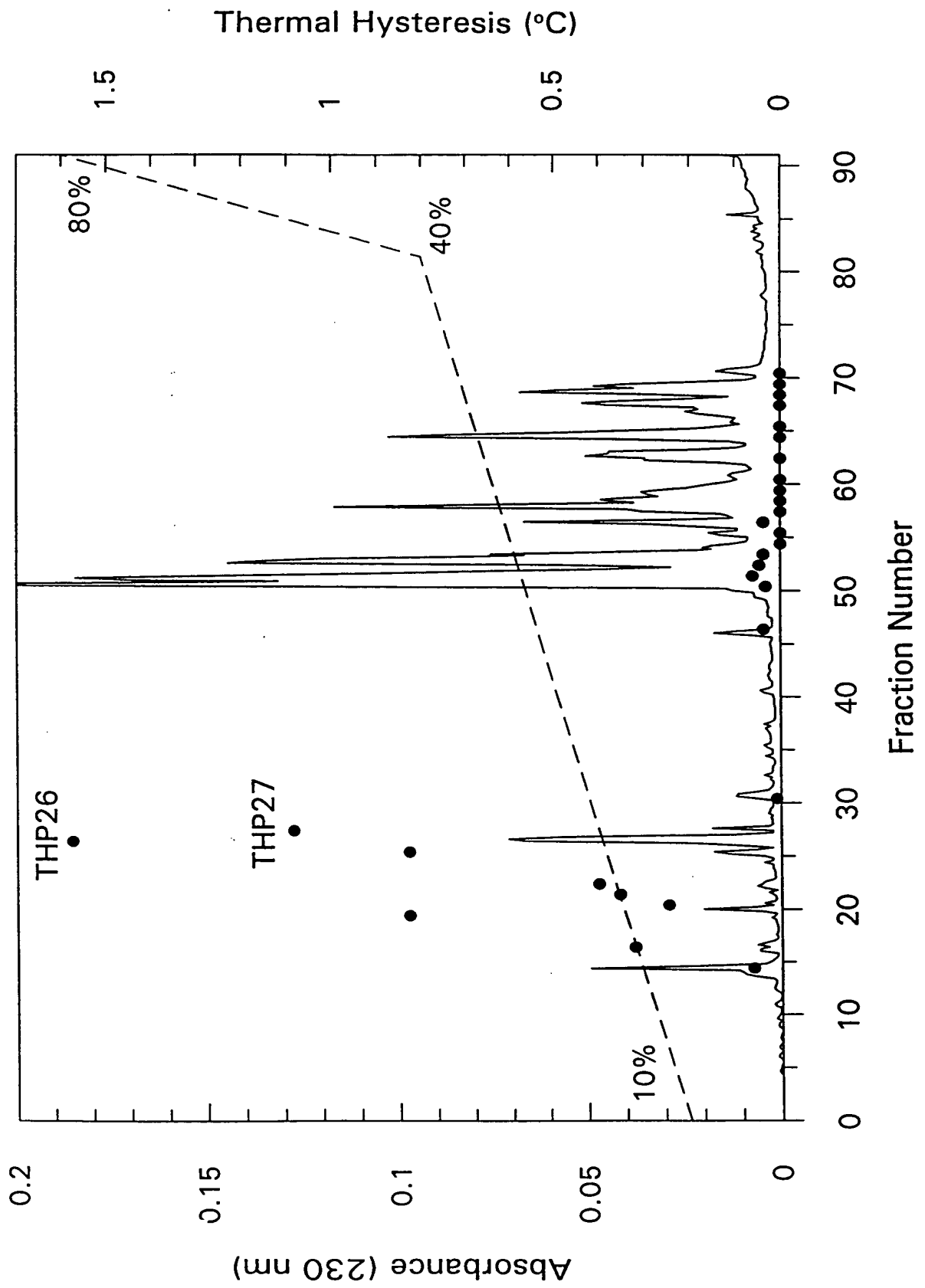


Figure 1

Figure 2



[REDACTED]



Figure 4

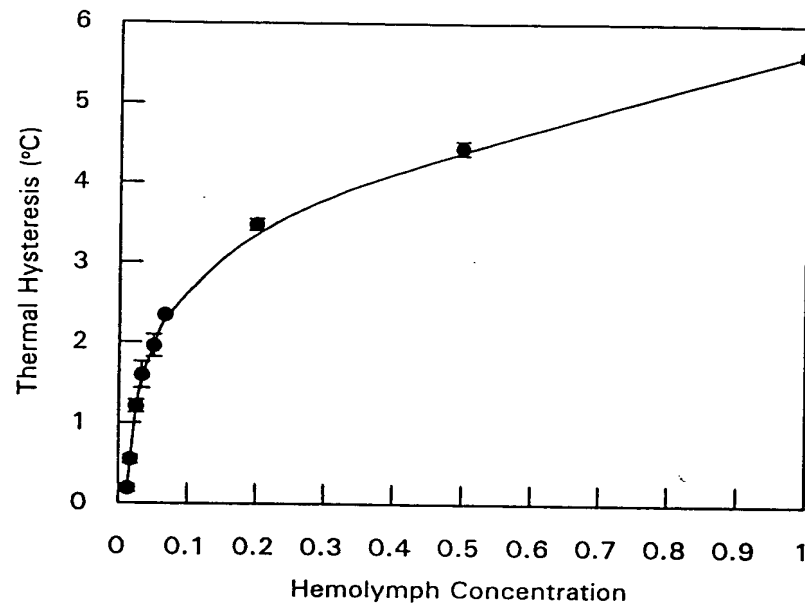
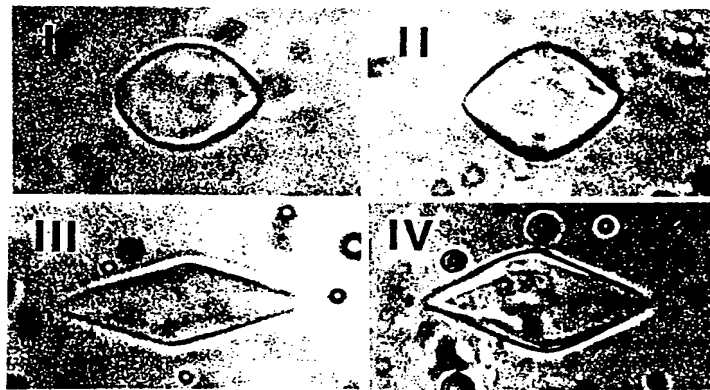


Figure 5



YL-1 TAAACAGCGAGATAAACACAATACTACATAAAACTATGGCGTTCAAACGTTGGTTTTTC
YL-2 AAACAATATTACAAAAAACTATGGCATTCAAACGTTGGTTTTTC
YL-4 CAAAAAGTATGTCATTCAAATAAGTACTTTTAC
YL-3 AAACAACAATATTACAAAAAACTATGGCATTCAAACGTTGGTTTTTC
5-15 AAACAGCGAGATAAACACAATATTACAAAAAACTATGGCATTCAAACGTTGGTTTTTC

YL-1		M	A	F	K	T	C	G	F	S
YL-2	
YL-4	5' UNTRANSLATED REGION	.	S	.	.	I	S	T	.	T
YL-3	
5-15	

YL-1 AAAAAAATGGTTAGTAATAGCAGTTATAGTTATGTGTTTGTGTACCGAGTGTTATTGCCAC
YL-2 AAAAAAATGGTTAGTAATAGCAGTTATAGTTATGTGTTTGTGTACCGAGTGTTATTGCCAA
YL-4 AAAAAATCTGGTTAATTATAGCAGTTATCGTTATGTGTTTGTGTAAACGAGTATAATTGCCAG
YL-3 AAAAAAATGGTTAATAATAGCAGTTATAGTTATGTGTTTGTGTACCGAGTGTTATTGCCAA
5-15 AAAAAAATGTTAATAATAGCAGTTATAGTTATGTGTTTGTGTACCGAGTGTTATTGCCAA

[illegible]

YL-1 TGCAC**T**GGGGGTGCTGATTGTACTAGTTGTACAG**AT**GCATGCACTGGTTGTGGAAAT**T**GT**C**
YL-2 TGCAC**T**GGGGGTGCTGATTGC**ACT**AGTTGTACAG**G**AGCATGCAC**T**GGTTGTGGAA**ACT**GT**C**
YL-4 TGCAC**T**GGGGGTGCTGATTGTACTAGTTGTACAGCAGCATGCAC**T**GGTTGTGGAA**ACT**GT**C**
YL-3 TGCAC**T**GGGGGTGCTGATTGTACTAGTTGTACAGCAGCATGCAC**T**GGTTGTGGAA**AGTT**GT**C**
5-15 TGCAC**T**GGGGGTGCTGATTGTACTAGTTGTACAGCAGCATGCAC**T**GGTTGTGGAA**AGTT**GT**C**

YL-1	C	T	G	G	A	D	C	T	S	C	T	D	A	C	T	G	C	G	N	C
YL-2	G
YL-4	.	.	.	A	A
YL-3	A	S	.
5-15	A	S	.

YL-1 CAAATGCACATACGTGTACCGATTCCAAAAATTGTGTCAAGGCAGCA-----
YL-2 CAAATGCAGTAACGTGTACCAATTCTCAACATTGTGTCAAGGCAAA-----
YL-4 CAAATGCAATAACGTGTACCGTTCTAAAAATTGTGTCAAGGCAACA-----
YL-3 CAAATGCGCATACGTGTACCGATTCTAAAAATTGTGTCAAGGCAGAAACGTGTACCGATT
5-15 CAAATGCGCATACGTGTATCGATTCTAAAAATTGTGTCAAGGCAGAAACGTGTACCGATT
***** ***** * ** * ***** *

YL-1	P	N	A	H	T	C	T	D	S	K	N	C	V	K	A	A	-----
YL-2	.	.	.	V	.	.	.	N	.	Q	H	N	-----
YL-4	.	.	.	I	.	.	.	G	R	.	T	-----
YL-3	R	.	E	T C T D S
5-15	I	R	.	E	T C T D S

FIGURE 6 (2/3)

```

YL-1 -----ACATGTACTGGATCTACAAAATGTAATACCGCCAGGACG
YL-2 -----ACATGTACTGGGTCTACAGATTGTAATACAGCCCAGACG
YL-4 -----ACATGTACTGGGTCTACAAACTGTAATAGAGCCACGACG
YL-3 TGAAAATTGTGTCAAGGCACATACATGTACTGGATCTAGAAACTGTAATACAGCCATGACG
5-15 TGAAAATTGTGTCAAGGCACATACATGTACTGGATCTAGAAACTGTAATACAGCCATGACG
                ***** * * * * *
YL-1 ----- T C T G S T K C N T A R T
YL-2 ----- . . . . . D . . . Q .
YL-4 ----- . . . . . N . . R . T .
YL-3 E N C V K A H . . . . . R N . . M .
5-15 E N C V K A H . . . . . R N . . M .

YL-1 TGTACAAACTCAAAAGACTGTTTTGAAGCCAAAACATGTACTG-----
YL-2 TGTACAAACTCAAAAGACTGTTTTGAAGCCAAACATGTACTG-----
YL-4 TGTACAAATTCAAAAGGCTGTTTAGAAGCCACAACATGTACTGGGTCTACACACTGTCATA
YL-3 TGTACAAACTCAAAAGACTGTTTTGAAGCCAAAACATGTACTG-----
5-15 TGTACAAACTCAAAAGACTGTTTTGAAGCCAAAACATGTACTG-----
                *****
YL-1 C T N S K D C F E A K T C T -----
YL-2 . . . . . . . . N . . -----
YL-4 . . . . . G . L . . T . . G S T H C H
YL-3 . . . . . . . . . . . -----
5-15 . . . . . . . . . . . -----

YL-1 -----
YL-2 -----
YL-4 GAGCCACGACGTGTACAAATTCAAAAGACTGTTTTGAAGCCACAACATGTACTGGCTCAAG
YL-3 -----
5-15 -----

YL-1 -----
YL-2 -----
YL-4 R A T T C T N S K D C F E A T T C T G S S
YL-3 -----
5-15 -----

YL-1 -----ACTCAACCAACTGTTACAAAGCTACAGCCTGT
YL-2 -----ACTCAACCAACTGTTACAAAGCTACAGCCTGT
YL-4 CAACTGTTACACTGCTACAACATGTACTAACTCAACCAACTGTTACAAAGCTACAGCCTGT
YL-3 -----ACTCAACCAACTGTTACAAAGCTACAGCCTGT
5-15 -----ACTCAACCAACTGTTACAAAGCTACAGCCTGT
                *****
YL-1 ----- D S T N C Y K A T A C
YL-2 ----- . . . . . . . . . .
YL-4 N C Y T A T T C T N . . . . .
YL-3 ----- . . . . . . . . . .
5-15 ----- . . . . . . . . . .

```

FIGURE 6 (3/3)

YL-1 ACCAATTCAACAGGATGTCCCGGACATTAAGTTTTTCTATTGTCAACAAT--AATAAAACA
 YL-2 ACCAATTCATCAGGATGTCCCGGACATTAAGTTTTTCTATTGTCAACAAT--CATAAAACA
 YL-4 ACCAATTCAACAGGATGTCCCGGACATTAGGTTTTTTTATTGTCAACAATAAAATAAAACA
 YL-3 ACCAATTCAACAGGATGTCCCGGACATTAAGTTTTTCTATTGTCAACAAT--AATAAAACA
 5-15 ACCAATTCAACAGGATGTCCCGGACATTAAGTTTTTCTATTGTCAACAAT--AATAAAACA

YL-1 T N S T G C P G H ▽

YL-2 . . . S

YL-4

YL-3

5-15

3' UNTRANSLATED REGION

YL-1 CACTTACTGTTATCTTAGCTAAAACATAATTGTAAGC-TCACTCTGTTTTGTATCCTATCT
 YL-2 CAATTATTGTTAGCTAAGTTAAACT---CTGTA-----TTGTATCCGATC-----T
 YL-4 AAACGTTCCTTATCTAAGCTAAAACATAAATGTAAACGTTAATTTGTATTCTATCCGATCT
 YL-3 C-GGAGGGATAGTCTAAGCTAAAACATAATTGTAAGC-TTACTCTGTATTGTATCCGATCT
 5-15 C-GGAGGGATAGTCTAAGCTAAAACATAATTGTAAGC-TTACTCTGTATTGTATCCGATCT
 * ** * ***** **** * * * *

YL-1 GTCTCT--GCCTCCGAAGGATGATAATTTTGTACTGGGAGCGAAAGGTTTATCCGACAATA
 YL-2 GTCTCTTTGCCTCCCAAGGATGATAATTTTGTACTGGGAGCGAAAGGGTTATCCGACAATA
 YL-4 GTCCCTTTGCGCCCTAAGGA---TAATTTTGTACAGGGAGAGAAAAGGCTATCCGACAATA
 YL-3 GTCTCTTTGCCTCCCAAGGATGATAATTTTGTACTGGGAGCGAAAGGGTTACCGGACAATA
 5-15 GTCTCTTTGCCTCCCAAGGATGATAATTTTGTACTGGGAGCGAAAGGGTTACCGGACAATA
 *** ** * * ***** ***** * * * *

YL-1 ATA-----AACTAAAATAATTGATATAAAAAAAAAAAAAAAAAA
 YL-2 ATA-----AACTAAAATAATTGATATAAAAAAAAAAAAAAAAAA
 YL-4 ATA-----AACATTGTTAATATACATAAAAAAAAAAAAAAAAAA
 YL-3 ATAATTAATAAACTAAA-TAATTG--ATAAAAAAAAAAAAAAAAAA
 5-15 ATAATTAATAAACTAAAATAATTGATATAAAAAAAAAAAAAAAAAA
 *** ** * ***** **